



Mgr. Dominika Vešelényiová, PhD.

Dátum narodenia: 29.01.1993 | **Národnosť:** Slovenská | **Telefónne číslo:**

(+421) 918804825 (Mobil) | **E-mailová adresa:** dominika.veselenyiova@ucm.sk | **E-**

mailová adresa: d.veselenyiova@gmail.com | **ORCID:**

<https://orcid.org/0000-0002-1965-160X> | **ResearchGate:**

<https://www.researchgate.net/profile/Dominika-Veselenyiova>

Adresa: Sladovnícka 15, City Dom 47, 91701, Trnava, Slovensko (Domov)

PRACOVNÉ SKÚSENOSTI

01.09.2021 – SÚČASNÉ ZAMESTNANIE Trnava, Slovensko

VEDECKÝ PRACOVNÍK/VEDECKÁ PRACOVNÍČKA FAKULTA PRÍRODNÝCH VIED, UNIVERZITA SV. CYRILA A METODA V TRNAVE

23.05.2022 – SÚČASNÉ ZAMESTNANIE Trnava, Slovensko

POVERENÁ FUNKCIOU PRODEKANKY PRE VEDU A MEDZINÁRODNÉ VZŤAHY FAKULTA PRÍRODNÝCH VIED, UNIVERZITA SV. CYRILA A METODA V TRNAVE

VZDELÁVANIE A ODBORNÁ PRÍPRAVA

01.09.2017 – 27.08.2021 Trnava, Slovensko

PHD. ŠTÚDIUM Katedra Biológie, Fakulta Prírodných vied

Univerzita sv. Cyrila a Metoda v Trnave
Odbor: Molekulárna biológia

Adresa Trnava, Slovensko | **Úroveň v európskom kvalifikačnom rámci (EKR)** EKR úroveň 8

2015 – 2017 Bratislava, Slovensko

MAGISTERSKÉ ŠTÚDIUM Katedra genetiky, Prírodovedecká Fakulta UK v Bratislave

Odbor: Genetika

Adresa Bratislava, Slovensko | **Úroveň v európskom kvalifikačnom rámci (EKR)** EKR úroveň 7

2012 – 2015 Bratislava, Slovensko

BAKALÁRSKE ŠTÚDIUM Prírodovedecká Fakulta Univerzity Komenského v Bratislava

Odbor: Biológia

Adresa Bratislava, Slovensko | **Úroveň v európskom kvalifikačnom rámci (EKR)** EKR úroveň 6

2003 – 2011 Dolný Kubín, Slovensko

STREDOŠKOLSKÉ VZDELANIE Gymnázium P.O. Hviezdoslava

Adresa Dolný Kubín, Slovensko

JAZYKOVÉ ZRUČNOSTI

Materinský(-é) jazyk(y):: **SLOVENČINA**

Ďalší jazyk:

	POROZUMENIE		HOVORENIE		PÍSOBNÝ PREJAV
	Počúvanie	Čítanie	Samostatný ústny prejav	Ústna interakcia	
ANGLIČTINA	C1	C1	C1	C1	C1
NEMČINA	B1	B1	A2	A2	A2

Úroveň: A1 a A2: Základný používateľ; B1 a B2: Samostatný používateľ; C1 a C2: Skúsený používateľ

DIGITÁLNE ZRUČNOSTI

Microsoft PowerPoint | Microsoft Word | Microsoft Excel | Microsoft Outlook | email - komunikácia | Windows | Microsoft Office | Internet | Skype | Zoom | Social Media | základná poznatky z oblasti UnixLinux operacných systémov

DOPLŇUJÚCE INFORMÁCIE

PUBLIKÁCIE

Vedecká publikácie

- Michelini et al. Rare PECAM1 variants in three families with lymphedema. *Lymphology*. 2020;53(3): 141-151.
- Michelini et al. NOTCH1: Review of its role in lymphatic development and study of seven families with rare pathogenic variants. *Mol Genet Genomic Med*. 2020 Nov 28:e1529.
- Michelini et al. Segregation Analysis of Rare NRP1 and NRP2 Variants in Families with Lymphedema. *Genes (Basel)*. 2020 Nov 17;11(11):1361.
- Ricci et al. Review of the function of SEMA3A in lymphatic vessel maturation and its potential as a candidate gene for lymphedema: Analysis of three families with rare causative variants. *Lymphology*. 2020;53(2):63-75.
- Michelini et al. Possible Role of the RORC Gene in Primary and Secondary Lymphedema: Review of the Literature and Genetic Study of Two Rare Causative Variants. *Lymphat Res Biol*. 2020
- Michelini et al. TIE1 as a Candidate Gene for Lymphatic Malformations with or without Lymphedema. *Int J Mol Sci*. 2020 Sep 16;21(18):6780.
- Ricci et al. Mutations in the ARAP3 Gene in Three Families with Primary Lymphedema Negative for Mutations in Known Lymphedema-Associated Genes. *Int J Genomics*. 2020
- Ricci et al. Two rare PROX1 variants in patients with lymphedema. *Mol Genet Genomic Med*. 2020 Oct; 8(10):e1424. doi: 10.1002/mgg3.1424 PMID: 32757260; PMCID: PMC7549596., IF: 1,96, Q3
- Ricci et al. CYP26B1 and its implications in lymphangiogenesis: Literature review and study of rare variants in two families. *Lymphology*. 2020;53(1):20-28.
- Paolacci et al. Mendelian obesity, molecular pathways and pharmacological therapies: a review. *European Review for Medical and Pharmacological Sciences*, 23(3), 1357-1378.
- Gatticchi et al. Recessive multiple epiphyseal dysplasia and Stargardt disease in two sisters. *Molecular Genetics & Genomic Medicine* 2021
- Michelini et al. CDH5, a Possible New Candidate Gene for Genetic Testing of Lymphedema. *Lymphatic Research and Biology*. 2021
- Michelini et al. SVEP1 is important for morphogenesis of lymphatic system: Possible implications in lymphedema. *Lymphology*, 54(1), 12-22.
- Vešelényiová et al. Calpains in Cyanobacteria and the Origin of Calpains. *Current Genetics* 2022
- Vešelényiová et al. Kalpains – cysteinové proteázy a ich biomedicínsky význam. In: Zpravodaj Československé biologické spoločnosti, 2019, 29(1), 5-15.

Kompletný zoznam vedeckých publikácií je v Prílohe 1

Odkaz <https://orcid.org/my-orcid>

ČLENSTVO ORGANIZÁCIÍ A SIEŤACH

Členstvo Československá Biologická spoločnosť
od roku 2019

2022 – SÚČASNÉ ZAMESTNANIE

EBTNA - Európska biotechnologická spoločnosť

KONFERENCIE A SEMINÁRE

Konferencie

- Krajčovič J., **Vešelényiová D.**, 2021. Calpains – calcium dependent cysteine proteases – their evolution and biomedical importance In: *Biotechnology & Biotechnological Equipment* 35(1), 25.
- **Vešelényiová D.**, Patlevičová A., Schneiderová M., Krajčovič J., 2021. *In silico* analysis of calpains among pro- and eukaryotic microorganisms. In: *Biotechnology & Biotechnological Equipment* 35(1), 108.
- Kenanoglu S., **Vešelényiová D.**, Michelini S., Maltese E.P., Paolacci S., Krajčovič J., Dundar M., Beccari T., Bertelli M., 2021. Identification of possibly pathogenic variants in candidate genes in lymphedema patients by NGS analysis. In: *Biotechnology & Biotechnological Equipment* 35(1), 32.
- **Vešelényiová D.**, Erik Birčák, Juraj Krajčovič, Calpains in the Phylum Euglenozoa (2018), *48th Jirovec's Protozoological Days*, p. 87
- **Dominika Vešelényiová**, Erik Birčák, Juraj Krajčovič, *In silico* identification of calpains in Euglenozoa (2018), *Aplikované prírodné vedy*, p.211
- Martina Kešeláková, **Dominika Vešelényiová**, Juraj Krajčovič, Enzým paramylon syntáza u euglenoidných bičíkvcov (2018), *Aplikované prírodné vedy*, p.87
- Vanda Adamcová, Tomáš Lempochner, Martin Valica, **Dominika Vešelényiová**, Juraj Krajčovič, Miroslav Horník, Biosorption of Zn and Cd by dried biomass of *Euglena gracilis* from aqueous solutions (2018). *Biotechnology and Metals*, p. 9-10
- Alžbeta Marček-Chorvátová, Kristína Ondrová, **Dominika Vešelényiová**, Juraj Krajčovič and Dušan Chorvát, Endogenous fluorophores in Euglenas: spectrally- and time-resolved microscopy study (2018), *Mikroskopia*
- Tomáš Lempochner, **Dominika Vešelényiová**, Juraj Krajčovič, Miroslav Horník, Application of microalgae biomass in binding heavy metals from aqueous solutions (2018), *Applied Natural Sciences - A Young Scientists Journal*, p. 49-50

PROJEKTY

15.04.2021 – SÚČASNÉ ZAMESTNANIE

t 313011ASN4: Riešenie spoločenských ohrození v dôsledku pandémie ochorenia COVID19 riešiteľ projektu

2021 – 2024

VEGA 1/0694/21, Vplyv intra- a extracelulárnych faktorov na metabolizmus a motilitu euglenoidných bičíkvcov riešiteľ projektu

2017 – 2020

VEGA 1/0535/17, Genetická výbava euglenoidných bičíkvcov pre medzibunkovú komunikáciu, metabolizmus cukrov a potenciálnu mnohobunkovosť riešiteľ projektu

VYZNAMENANIA A OCENENIA

10.2021

Ocenenie rektora UCM – Univerzita sv. Cyrila a Metoda v Trnave Ocenenie pre vynikajúcich študentov, za vynikajúce študijné a vedecké výsledky

09.2019

Najlepšia študentská vedecká prednáška – Odborná komisia Applied Natural Sciences 2019 Ocenenie za najlepšiu vedeckú prednášku na medzinárodnej konferencii Applied Natural Sciences 2019

ZAHRANIČNÉ STÁŽE

Stáže

- August 2018 - Katedra molekulárnej fylogenetiky a evolúcie, Univerzita vo Varšave, Poľsko
- Jún - Október 2018 - MAGI - laboratórium humánnej genetiky a diagnostiky, Taliansko
- Október - December 2019 - Katedra molekulárnej fylogenetiky a evolúcie, Univerzita vo Varšave, Poľsko
- December 2019 - Február 2020 - MAGI - laboratórium humánnej genetiky a diagnostiky, Taliansko

ODBORNÉ ZRUČNOSTI

Metódy

Bioinformatické analýzy a metódy

- Windows, Linux
- Práca s databázami
- Analýza DNA, RNA a aminokyselinových sekvencií

- Spracovanie dát zo sekvenovania
- Skladanie a analýza jadrových a organelových genómov a transkriptómov
- Vytváranie a aplikácia Skrytých Markových modelov, 3D homologické modelovanie
- Identifikácia a analýza génov a proteínov
- Fylogenetická analýza

Laboratórne metódy

- Príprava kultivačných médií a kultivácia buniek
- Izolácia DNA, RNA, príprava cDNA
- dizaj primerov, PCR, qPCR, analýza produktov

